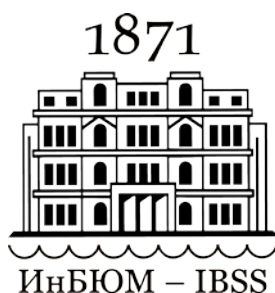


Межрегиональная общественная организация
«Паразитологическое общество» Российской академии наук
Институт биологии южных морей им А. О. Ковалевского РАН
Зоологический институт РАН
Российский фонд фундаментальных исследований



ШКОЛА по теоретической и морской ПАРАЗИТОЛОГИИ

**VII Всероссийская
конференция с международным участием**

9–14 сентября 2019, г. Севастополь

Тезисы докладов

Севастополь
2019

УДК 576.895.597.586.2.(262.5)

Генетическая изменчивость по митохондриальным маркерам у черноморских трематод семейства Opescoelidae

Катохин А. В.¹, Корнийчук Ю. М.²

¹ФИЦ «Институт цитологии и генетики СО РАН», г. Новосибирск, Россия;
katokhin@bionet.nsc.ru

²ФИЦ «Институт биологии южных морей имени А.О. Ковалевского РАН»,
г. Севастополь, Россия; miju2811@mail.ru

Для оценки направленности и характера эволюционных процессов в процессе адаптации трематод к хозяевам разных видов структура популяций паразитов должна быть изучена не только методами традиционной морфологии и морфометрии, но и молекулярно-генетическими.

Материалом для исследования послужили трематоды видов *Cainocreadium flesi* Korniychuk & Gaevskaya, 2000 от камбалы глоссы *Platichthys flesus* (Linnaeus, 1758) и морского налима *Gaidropsarus mediterraneus* (Linnaeus, 1758), а также *Helicometra fasciata* (Rud., 1819) от собачки-павлина *Salaria pavo* (Risso, 1810), выловленных в Черном море в районе г. Севастополь. Основная методика — секвенирование маркерных последовательностей ДНК и последующий их филогенетический анализ.

Поскольку ожидалось, что из-за высокой степени вариабельности митохондриальных маркеров возможны проблемы с применением опубликованных праймеров для амплификации ДНК новых видов, усилия были приложены для разработки новых праймеров с учетом новейших данных о митохондриальных геномах плагиорхид. Исследованный фрагмент митохондриального гена 16S РНК оказался достаточно информативен, чтобы различать образцы различных подотрядов, надсемейств и семейств внутри отряда Plagiorchiida. В докладе будут представлены предварительные результаты выполнения проекта.

Исследование поддержано грантом РФФИ №18-44-920027 p_a.

Opescoelidae trematodes in the Black Sea: study of interspecific genetic diversity using mitochondrial markers

Katokhin A. V.¹, Korniychuk Yu. M.²

¹Institute of Cytology and Genetics SB of RAS, Novosibirsk, Russia; katokhin@bionet.nsc.ru

²A.O. Kovalevsky Institute of Biology of the Southern Seas of RAS, Sevastopol, Russia;
miju2811@mail.ru

Sequencing of marker DNA fragments followed by phylogenetic analysis was performed on three Opescoelidae species from the Black Sea. The key step of the study was the DNA marker and primer design as previously published primers did not fit enough. Preliminary results of the project will be presented. *The research was supported by RFBR grant no. 18-44-920027 p_a.*